

## ANGUILLA ANGUILLA IR A. JAPONICA INDIVIDŲ RŪŠINĖS PRIKLAUSOMYBĖS NUSTATYMAS MOLEKULINIŲ METODŲ, PAGRĖSTŲ mtDNR D-KILPOS REGIONO HOMOLOGINIŲ SEKŲ ANALIZE

Adomas Ragauskas<sup>1</sup>, Dalius Butkauskas<sup>1</sup>, Aniolas Sruoga<sup>2</sup>

<sup>1</sup>Gamtos tyrimų centras, Akademijos g. 2, LT-08412 Vilnius

tel. (8~5) 272 9287; faks.: (8~5) 272 9107; el. paštas: adomas.ragauskas@gmail.com

<sup>2</sup>Vytauto Didžiojo universitetas, K. Donelaičio g. 58, LT-44248 Kaunas

el. paštas: a.sruoga@gmf.vdu.lt

**Santrauka.** Įgyvendinant CITES konvencijos reikalavimus, norint nustatyti *Anguilla* sp. individų rūšinę priklausomybę, taikytas molekulinis metodas, pagrįstas PGR su Ang1 pradmenų pora, skirta amplifikuoti *A. anguilla* mtDNR D-kilpos regioną, ir gautų mtDNR fragmentų bei kelių *A. anguilla*, *A. rostrata* ir *A. japonica* sekų iš „GenBank“ homologinių sekų analize. Tyrimų rezultatai vienareikšmiškai patvirtina, kad *A. anguilla*, *A. rostrata* ir *A. japonica* rūšių identifikacija, analizuojant mtDNR D-kilpos regiono 450-455 bp homologines sekas, yra patikima. Panaudojus abejotinos kilmės 31 individo audinių pavyzdžius nustatyta, kad visos tirtos mtDNR D-kilpos regiono sekos priklauso *A. japonica* rūšiai ir priskirtinos skirtingiems haplotipams. Taikytas molekulinis metodas atitinka tarptautinius rūšies identifikavimo reikalavimus ir gali būti alternatyva kitiems metodams.

**Raktažodžiai:** *Anguilla* sp., molekulinis metodas, D-kilpa, rūšies identifikacija.